



LT2	--.FF-----T---R-A---L---QQ-AYE---PI---	38	
LT1	-----FRS-----	39	
LT1_1A	-G-R-----R-----HN-----	40	
CT	NDDKLYRADSRPPDEIKQSGGLMPRGQSEYFDRGTQMNIN	40	
	--E-----V--NT--N-----TVT--Q---E--N--GS-	78	
	-----Y-----	79	
	-----Y-----L-----A--S-----Y	80	
	LYDHARGTQTGFVRHDDGYVST <u>S</u> ISLRS A HLVGQTILSGH	80	
	NE-----V-P---L-D--G---R---Y-S-N-FA-----	118	
	-LTIYI-----IS-----	116	
	-----V---Y-----	120	
	STYYIYVIATAPNMFN <u>V</u> NDVLGAY <u>S</u> PH <u>P</u> DEQEVS <u>A</u> LGGIP	120	
	L---I-----SF-A-EGGMQ---D--GDLF-G-TV--N--	158	
	-----	156	
	-----N---I--R-----E-----R--N---E-	160	
	YSQIYGWYRVHFGVLDEQLHRNRYRDRYYSNLDIAPAAD	160	
	--Q-----SNFP----M--STF--EQ-VPNNKEFK-GV-I	198	
	-----	196	
	--R-----D-Q-----Q---DSS-TITGD--N	200	
	GYGLAGFPPEHRAWREEPWIIHHAPPGCGNAPRSSMSNTCD	200	
	SA-NV--KYD-MNFKKLL--RLALTFFM--D-F-GFHGE----	241	(SEQ ID NO:5)
	-----	236	(SEQ ID NO:6)
	-E--N-STIY-R-----D---EV-.IY---.R---	240	(SEQ ID NO:7)
	EKTQSLGVKFLDEYQSKVKRQIFSGY.QSDID.THNRI.KDEL	240	(SEQ ID NO:8)

FIGURE 8